



LIFE10 NAT/IT/000239 – “RARITY”

Analisi bio-molecolari per l'identificazione del patogeno *Aphanomyces astaci* in *Procambarus clarkii* e *Austropotamobius pallipes*

A partire da settembre 2011 sono stati esaminati esemplari di *A. pallipes* e *P. clarkii* con metodiche molecolari ed istologiche per rilevare eventuali agenti patogeni, in particolare la presenza nei tessuti di *Aphanomyces astaci* responsabile della peste del gambero.

Sono state eseguite analisi mediante PCR secondo la metodica riportata nel Manual of Diagnostic Tests for Aquatic Animals 2009 OIE su campioni di cuticola prelevata dalla regione ventrale addominale, telson e aree melanizzate degli arti. In caso di campioni positivi in PCR si è proceduto al sequenziamento dell'amplificato e confronto della sequenza risultante con le sequenze di *A. astaci* contenute in GenBank tramite programma BLAST.

Complessivamente sono stati valutati 11 *A. pallipes* provenienti da tre bacini idrografici distinti: torrente Palar, Trasaghis (UD) (17/11/11); rio Inglagna (PN)(02/12/11) ed impianto ETP Flambro (18/09/11), Talmasson (UD). Due esemplari moribondi provenienti da Flambro sono risultati positivi in PCR e confermati tramite sequenziamento degli amplificati (omologia con le sequenze di riferimento per *A. astaci*). Tale ritrovamento ha reso pertanto impossibile l'utilizzo dell'impianto di Flambro per la riproduzione di *A. pallipes*.

In totale 9 esemplari di *P. clarkii* sono stati prelevati in tre bacini differenti (lago Pacher e canale Mangler, Sesto al Reghena (PN)(02/12/11); Bosco degli Alberoni, Isola della Cona (GO) (06/03/12). Tutti gli esemplari (5 soggetti) provenienti da Isola della Cona sono risultati positivi in PCR e al sequenziamento per *A. astaci*.

È stato quindi possibile identificare un focolaio di peste del gambero in *A. pallipes* associato a mortalità e la presenza di soggetti *carrier* di *A. astaci* in una popolazione di *P. clarkii*.